



Bioinformatik – metoder

Baseret på siderne 35-46

I grupper skal der udarbejdes en præsentation hvor I forklarer en eller flere teknikker, og hvad disse kan anvendes til. Inddrag relevante figurer i præsentationen.

Emner

1. Metagenomundersøgelse, miljøundersøgelser med eDNA

- Metoder – kort om PCR og detaljeret om qPCR fra Faktaboks 5 side 42
- Figur 37 + 38 side 36
- Eksempler på anvendelse og opdagelser

2. eDNA metabarcoding

- DNA barcoding
- Shotgunsekventering figur 27
- Gennemgang af resultaterne fra 2019 fra dansk forskergruppe (side 37)
- Figur 40 side 38
- Anvendelighed

3. Mikrobiotaundersøgelser

- Forklaring af begrebet mikrobiota
- Figur 41 + 42 side 39-40
- Redegørelse for metoder
- Anvendelighed

4. Personlig medicin

- Associationskortlæsning
- Genetiske sundhedsprofiler
- Figur 46 + 47 side 44-45
- SNP-chip
- Anvendelighed